

SEQUENCE LISTING

<110> Exiqon

<120> DETECTION OF MUTATIONS IN GENES BY
SPECIFIC LNA-PRIMERS.

<130> 22601PC1

<160> 9

<170> FastSEQ for Windows Version 3.0

<210> 1

<211> 25

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Primer EQ 3053

<221> modified_base

<222> (25)...(25)

<223> G LNA

<400> 1

cctacttgaa ttccaagagc acacg

25

<210> 2

<211> 25

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Primer EQ 3054

<221> modified_base

<222> (25)...(25)

<223> A LNA

<400> 2

cctacttgaa ttccaagagc acaca

25

<210> 3

<211> 23

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Primer ApoBR2

<400> 3
ttagatcat ttagtttcag ccc 23

<210> 4
<211> 50
<212> DNA
<213> Human

<400> 4
cttacttgaa ttccaagagc acacggtctt cagtgaagct gcagggcact 50

<210> 5
<211> 50
<212> DNA
<213> Human

<400> 5
cttacttgaa ttccaagagc acacagtctt cagtgaagct gcagggcact 50

<210> 6
<211> 24
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer EQ 3213

<400> 6
gttttttcgta ctgtgctccc agag 24

<210> 7
<211> 22
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer EQ 3157

<221> modified base
<222> (22)...(22)
<223> T LNA

<400> 7
ccctgcagct tcaactgaaga ct 22

<210> 8
<211> 23
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer EQ 3176

23

<220>
<223> Primer EQ 3647

25

[illegible]